

Министерство здравоохранения Украины
Академия медицинских наук Украины
Украинское общество инфектологов в акушерстве и гинекологии
Украинская ассоциация акушеров-гинекологов
Одесская облгосадминистрация
Одесский государственный медицинский университет



III МЕЖДУНАРОДНЫЙ КОНГРЕСС



АКТУАЛЬНЫЕ ВОПРОСЫ ИНФЕКТОЛОГИИ
В АКУШЕРСТВЕ И ГИНЕКОЛОГИИ

украинской секции ESIDOG

ПРОГРАММА И ТЕЗИСЫ РАБОТ

1-2 июня 2000 года
Одесса, Украина

МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧНИЙ ПІДХІД ДО ВИВЧЕННЯ ПОЛІМОРФІЗМУ ЗБУДНИКІВ ГНІЙНО-СЕПТИЧНИХ ЗАХВОРЮВАНЬ

Бажора Ю.І., Кресюн В.Й., Чуєв П.М., Сиволап М.Ю.

Одеський державний медичний університет, м. Одеса

Останнім часом відмічається значний ріст гнійних захворювань, що викликаються стафілококками та стрептококками. Виділення та ідентифікація цих збудників на ранніх етапах захворювання є важливим напрямком медичної мікробіології та клінічної медицини.

Метою дослідження була детекція ряду патогенів та визначення їх молекулярно-генетичного поліморфізму.

Матеріали дослідження: *Staphylococcus aureus* № 285, Cowan 1, ATTC 25923, 209p; *Staphylococcus epidermidis* № 287, № 286, № 284, та ін.; *Streptococcus pneumoniae* тип 6A*, тип 8*, тип 19A*, 49619 - штам ATTC (American Type Culture Collection, USA), (* - Данська класифікація Erna Sund); *Streptococcus pyogenes* (стрептококки групи А за Sunfield) типи за Griffith: 5, 9, 10, 11, з яких були виділені ДНК; маркери молекулярної ваги 100 bp DNA ladder и рUC Mix; фланкуючі праймери до даних мікроорганізмів, отримані відділом молекулярної діагностики та генної дактилоскопії Державного наукового центру Російської Федерації "ДЕРЖ НДІ ГЕНЕТИКА" (Москва). Довільні праймери: P-53 5' - GTC TAA GTC G-3'

P-54 5' - GTT AGG AGA C-3'

P-64 5' - CCG GCA GCA AAA TG-3'

ПЛР виконували на ампліфікаторі "Терцик" (Росія). Продукти ампліфікації фракціонували на апараті горизонтального електрофорезу (Hoefer Scientific Instruments, USA) і фотографували в УФ-світлі на фотоплівку "Мікрат 300".

Побудову дендрограми генетичних співвідносин проводили за допомогою програми "TREES" (Календар, 1994).

Результати: проведена ідентифікація *St.aureus*, *St.epidermidis*, *Str.pyogenes*, *Str.pneumoniae* за допомогою фланкуючих праймерів, визначені біотипи мікроорганізмів, які генетично відрізняються. Показником їх дифференціації була різна молекулярна вага зразків ДНК після ампліфікації з фланкуючими праймерами і електрофорезу в гелі. Генетична варіабільність показана за допомогою типування ДНК RAPD - аналізом. Профілі ДНК після ампліфікації з універсальними праймерами показали значну інтрамолекулярну гетерогенність і варіабельність у межах виду. Остання обставина є базою для пошуку зв'язку між особливостями генотипів (штамів) мікроорганізмів та такими ознаками як патогенність, антибіотикорезистентність та іншими біологічними властивостями збудників гнійно-септичних захворювань.